SEQUENCE LISTING

<110>	UNIVERSITY OF SASKATCHEWAN TECHNOLOGIES INC. LEE, Jeremy s. WETTIG, Shawn D. KRAATZ, Heinz-Bernhard	Ž
<120>	METHODS AN APPARATUS FOR MOLECULAR DATA STORAGE, RETRIEVAL AND ANALYSIS	
<130>	84527-18	
<140> <141>		
<150> <151>	US 60/373,644 2002-04-19	
<160>	6	
<170>	PatentIn version 3.2	
010-	1	
<210>		
<211>		
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Guide Sequence	
<400>	1	50
aaaaa	aaaaa aaaaaaaaa catgaattcc aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa	
<210>	. 2	
<211>		
<212>	\cdot	
<213>		
\ 2	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
<220>		
<223		
1220	•	
<400	> 2	10
	tcatg	10
33,		
<210	> 3	
<211	•	
<212	> DNA	
<213		÷
<220		
<223		
<400		10
ggac	ttcatg	*

<210>	4		
<211>	10		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220>			
<223>	Miss Match Sequence 2		
	•		
<400>	4		
ggacat	catg		LO
010	•	in the second of	
<210>			
<211>			
<212>	•	Super	
<213>	Artificial Sequence		
<220>			
	Miss Match Sequence 3		
(223)	MISS Match Sequence 3		
<400>	5	•	
ggacaa	catq		LO
J J			
	•		
<210>	6 ·		
<211>	10		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
		•	
<220>			
<223>	Control Sequence	•	
<400>	6	•	
gtactt		•	LO
	· 		